

Ingénieur-e d études en ingénierie logicielle

RÉFÉRENCES DE L'EMPLOI :

Concours Interne ITA

Inscriptions : du 19 avril au 17 mai 2022

Epreuves d'admissibilité : du 12 au 23 septembre 2022

Epreuves d'admission : du 10 au 21 octobre

Conditions d'éligibilité : (cf Guide des candidats aux concours internes) :

Les concours internes sont ouverts aux agents (fonctionnaires et contractuels en CDI/CDD) des 3 versants de la fonction Publique (Etat, territoriale, hospitalière) et des établissements publics qui en dépendent.

Durée de service requise pour postuler aux corps IT :

Ingénieur d'études : 5 ans de services publics

Structure porteuse : GA

Centre de recherche : Centre de recherche Occitanie-Toulouse

Unité d'affectation : Genome et Transcriptome - Plateforme Génomique

Lieu de travail : INRAE, 24 Chemin de Borde Rouge – Auzeville CS 52627
31326 Castanet Tolosan cedex FRANCE

Région : Occitanie

Contact : Gérald SALIN (Responsable Informatique)

Téléphone : 05 61 28 55 39

Adresse électronique : gerald.salin@inrae.fr

Autre contact : Anne FLEURBE (Chargée des Ressources Humaines)

Téléphone : 05 61 28 55 88

Adresse électronique : anne.fleurbe@inrae.fr

DESCRIPTION DE L'EMPLOI :

Identifiant de l'emploi : E2C45

Libellé de l'emploi : Ing. en ingénierie logicielle

Définition de l'emploi : Participez à la mise en place et la configuration de briques logicielles permettant de gérer la traçabilité des expériences de séquençage haut-débit au laboratoire jusqu'au dépôt des données dans les entrepôts publics du domaine, accompagnant ainsi notre démarche de FAIRisation des données.

Corps : Ingénieur d'Etudes

BAP : E : Informatique, statisti. & Calcul Scientifique

Environnement, missions et activités :

L'unité GeT-PlaGe est une plateforme technologique de séquençage, constituée en unité de service d'une trentaine de personnes. Elle propose depuis 20 ans ses services en Génomique à l'ensemble de la communauté scientifique nationale en agronomie, environnement et écologie. Membre de France Génomique (PIA), elle est labellisée Infrastructure collective INRAE et fait partie de l'Infrastructure de Recherche de Génomique.

L'unité a fait le choix depuis plusieurs années de se positionner sur des technologies de pointe. Les technologies et méthodologies développées sont parmi les 1ère disponibles en France dans le domaine. Une équipe informatique de 3 personnes administre et développe un système d'information (SI) qui vient en support pour la gestion de la plateforme de séquençage. Ce SI doit accompagner le dynamisme de la plateforme en intégrant les nouveaux appareils, types de données et applications et en permettant la gestion de quantités de données toujours plus importantes qu'il faut sécuriser, tracer et éventuellement mettre à disposition des collaborateurs.

Accueilli.e au sein de l'équipe informatique, en interaction forte avec les équipes bioinformatique et séquençage, vous participerez au maintien et au développement du SI.

Vous serez placé.e sous la responsabilité directe du responsable de l'équipe informatique et sous la responsabilité hiérarchique de la directrice d'unité.

Vous participerez à la mise en place et la configuration de briques logicielles permettant de gérer la traçabilité des expériences de séquençage haut-débit au laboratoire jusqu'au dépôt des données dans les entrepôts publics du domaine, accompagnant ainsi notre démarche de FAIRisation des données.

L'outil NGL sélectionné est principalement développé par l'institut de Génomique (CEA, Evry). Vous serez donc amené.e à collaborer avec son équipe de développement et à prendre part activement à l'évolution de NGL.

Vous participerez à l'ensemble du processus de la mise en place de solutions logicielles (capture des besoins des utilisateurs biologistes de l'unité, conception, implémentation de la solution logicielle et la formation des utilisateurs). Sur le plan technique, NGL repose sur le framework play, java, angular et mongoDB.

Vous serez aussi amené.e plus ponctuellement à faire évoluer des briques logicielles déjà existantes dans le SI, basées sur les technologies java/perl/postgreSQL.

L'ensemble des sources du SI est suivi au sein de la forge logicielle gitlab (<https://forgemia.inra.fr>). Les données et les applications du SI sont hébergées sur l'infrastructure de la plateforme bioinformatique. Vous serez donc amené.e à interagir avec ses agents.

En mission complémentaire, vous participerez à la gestion des comptes utilisateurs et des postes informatiques de GeT-PlaGe (application de procédures établies).

Conditions particulières d'exercice

La réussite à ce concours vaut qualification informatique. Le poste ouvre droit à une prime informatique en qualité d'Analyste.

Vos compétences techniques:

- une excellente maîtrise des langages : javascript, java, Perl, PHP, Python, shell, HTML
- Frameworks : play, AngularJS, JQuery, Hibernate
- Bases de données : PostGreSQL, MySQL, MongoDB
- Serveur d'applications : apache, Glassfish
- Très bonne maîtrise d'unix



Vos Savoir généraux :

- Maîtrise de l'IDE ECLIPSE et le gestionnaire de source de git
- Maîtrise d'une suite bureautique
- Maîtrise de l'anglais technique

Votre Savoir-être :

- Intérêt fort pour les sciences du vivant
- Curiosité et aptitude à la veille technologique dans le domaine de compétence
- Aptitude et goût du travail en équipe
- Capacité à interagir avec des utilisateurs
- Rigueur et conscience professionnelle
- Dynamique

