

CDD Ingénieur-e d'études, biologiste moléculaire**Période**

Durée du contrat : 6 mois, renouvelable
Début envisagé : 01/01/2020

Emploi-type REFERENS : A2A42

Affectation

Plateau GeT-TRiX
INRA UMR 1331 TOXALIM
180 chemin de Tournefeuille - BP 93173
31027 Toulouse Cedex 3

Environnement et contexte de travail

Le site GeT-TRiX de la plateforme Génome et Transcriptome (GeT, <http://get.genotoul.fr>) met à disposition des laboratoires publics ou privés une expertise en matière d'analyse de l'expression des gènes (étude du transcriptome) à l'aide de la technologie des microarrays et de la PCR quantitative en temps réel. Les domaines d'expertises apportés par le plateau sont ceux de la biologie moléculaire et de la biostatistique. Il fournit des matériels, des compétences et services pour l'analyse du transcriptome à moyen (qPCR- au format 384 puits) et haut-débit (microarrays Agilent). En particulier, l'équipe dispose des compétences pour l'évaluation de la qualité des échantillons d'ARN, pour l'acquisition des signatures transcriptomiques sur microarrays Agilent ainsi que pour l'analyse biostatistique des données. Par ailleurs le plateau a mis en place l'automatisation sur robot de distribution du processus de production des données permettant d'analyser en parallèle jusqu'à 96 transcriptomes. Les technologies évoluant rapidement, le personnel participe à la mise en place de nouvelles méthodes d'analyse ou à l'amélioration des protocoles existants.

Afin de répondre aux besoins des équipes de recherche, la plateforme GeT souhaite mettre en place des protocoles NGS pour l'analyse des petits ARNs non codants (miRNAs, ...) et également l'analyse RNAseq à partir d'échantillons contenant de très faibles quantités d'ARN. Ces développements seront confiés au candidat recruté qui interagira étroitement avec les ingénieurs experts des différents sites de la plateforme GeT. Des déplacements sur les différents sites GeT (agglomération toulousaine) seront prévus.

Missions et activités confiées

Missions et activités principales :

- ➔ Evaluer/tester et mettre en place des protocoles **small-RNAseq** sur technologie **Illumina**
- ➔ Evaluer/tester et mettre en place des protocoles **RNAseq** pour **faibles quantités** sur technologie **Illumina**
- Réaliser la veille méthodologique pour identifier les méthodes d'intérêt
- Communiquer et échanger avec les interlocuteurs externes et internes
- Concevoir, réaliser les tests et valider les méthodes sélectionnées (préparation et contrôle qualité des librairies)
- Rendre compte et présenter les résultats lors de réunions ou séminaires internes ou externes
- Former/assurer le transfert de compétences
- Participer à la démarche qualité du plateau

Missions complémentaires :

Le candidat recruté contribuera également au fonctionnement général du plateau :

- Gérer les échantillons et les stocks de réactifs et consommables
- Accueillir les utilisateurs
- Participer aux activités collectives de l'équipe

Compétences attendues

- Maîtriser les principes de biologie moléculaire, notamment la manipulation d'échantillons d'ARN
- Connaître la technologie de séquençage illumina
- Avoir une expérience dans la réalisation de bibliothèques NGS
- Connaître les risques et appliquer les règles d'hygiène et de sécurité relatives au domaine d'activité
- Travailler en équipe
- Savoir mettre en forme et communiquer les résultats
- Rendre compte de son activité

Capacités personnelles

- Rigueur
- Capacités d'organisation
- Autonomie
- Capacité de raisonnement analytique
- Capacités relationnelles pour les liens avec les interlocuteurs internes et les fournisseurs.

Formations souhaitées

Niveau Bac+5 en biologie/biotechnologies

Modalités pour postuler

Les candidatures (CV et lettre de motivation) doivent être envoyées avant le 30/11/2019 à l'adresse mail ci-après:

[get-trix\[at\]genotoul.fr](mailto:get-trix[at]genotoul.fr)

Contact

Yannick Lippi, responsable du site GeT-TRiX
05 82 06 64 01