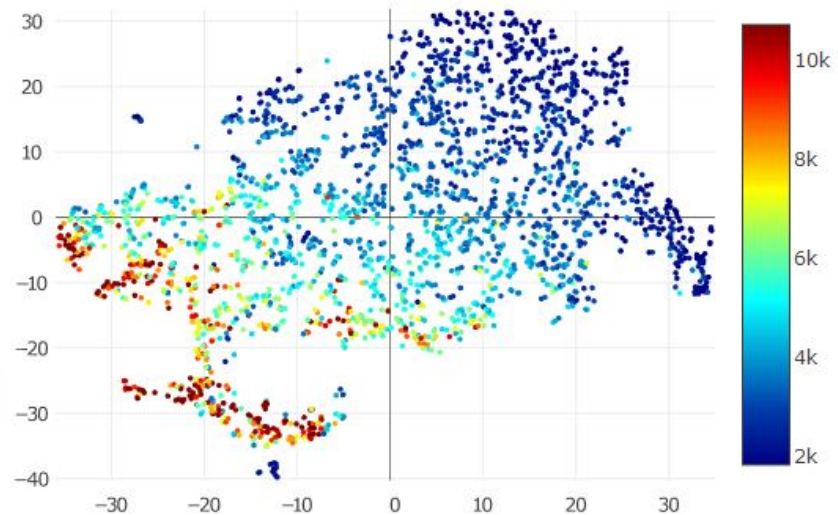


La plateforme GeT, le Pôle Technologique du CRCT et la société 10x Genomics ont le plaisir de vous convier à une journée autour des approches **Single Cell**, des nouvelles applications et des nouveaux outils disponibles (ATAC-Seq, CITE-Seq...).



Pendant cette journée, vous seront présentées différentes approches méthodologiques et analytiques à travers le retour d'expériences de plusieurs utilisateurs.

Cette journée se tiendra le **Mardi 15 Janvier 2019** de 10h30 à 16h, salle H. Paris, I2MC, bâtiment L4, Rangueil, Toulouse.

Inscription gratuite mais obligatoire [ici](#)

Voici le programme :

10h30 - 11h

10x Genomics: Hannes Arnold

11h - 11h30

Biolegend: Jean-Baptiste Guillerme

11h30 - 12h

Jean-Jacques Fournié - CRCT

Single-cell transcriptomics unveils the distinct cytotoxic hallmarks of human TCRV δ 1 and TCRV δ 2 $\gamma\delta$ T lymphocytes

12h - 13h30

Lunch break

13h30 - 14h

Céline Mazotti - IUCT

Analyse transcriptionnelle en cellules uniques des populations plasmocytaires résiduelles dans le Myélome Multiple

14h - 14h30

Kevin Lebrigand - IPMC

Covering 10x Genomics sequencing on Oxford Nanopore Technology and single cell CNV sequencing

14h30 - 15h

Hervé Acloque - INRA-GABI

Caractérisation des populations cellulaires composant le blastocyste porcine par analyse du transcriptome en cellule-unique

15h - 15h30

Joost Van Meerwijk - CPTP

scRNAseq of developing regulatory T lymphocytes

15h30 - 16h

Armelle Yart - I2MC

Caractérisation par scRNAseq de sous-populations de macrophages dans le syndrome de Noonan