

Ingénieur de Recherche biologiste CDD (réf : PlaGeIR02-2018)

Lieu de travail : Campus INRA d'Auzeville (31)

Durée : 1 an renouvelable

Début du contrat souhaité : 1 juin 2018

Salaire basé sur la grille INRA, suivant expérience

Contacts : Olivier Bouchez - Cécile Donnadieu

Activités essentielles :

- Réaliser des développements méthodologiques sur des technologies de séquençage **2^{ème} génération « short read » (Hi-C, ...)** dans les domaines de **l'épigénétique**, de la **méta-génomique**, ect...
- Participer à la mise en place de nouvelles applications sur les technologies de **3^{ème} génération (ONT, 10Xgenomics, ...)** dans le domaine de l'analyse de **variants structuraux**, ect...
- **Assurer la veille technologique** concernant le séquençage « long read » et les protocoles d'extraction d'ADN de haut poids moléculaire.
- **Participer à la coordination d'un projet Régional d'envergure**
- Communiquer au sujet des résultats obtenus lors de séminaires, réunions...
- Communiquer et gérer les relations avec les interlocuteurs internes et externes.
- Accompagner et former les utilisateurs pour la réalisation de leurs travaux.
- Participer à la vie de l'unité

Activités complémentaires :

- Participer à la gestion des stocks.
- Participer à l'entretien courant de différents appareils et de leurs périphériques.
- Assurer une permanence occasionnelle pour la continuité du suivi des réactifs dans les congélateurs.
- Participer à la démarche qualité ISO9001-2015 et NFX50-900.

Compétences :

- Avoir des connaissances générales en biologie moléculaire et génomique.
- Connaître et maîtriser la mise en œuvre d'un ensemble de techniques de biologie moléculaire.
- Savoir réaliser une veille technologique.
- Connaître le principe des appareils spécialisés du domaine : séquenceurs NGS Illumina HiSeq et MiSeq, PacBio RSII, Oxford Nanopore MinION et GridION, robots pipetteurs, périphériques pour le contrôle qualité des échantillons et la quantification... Une expérience pratique sur un de ces séquenceurs sera appréciée
- Savoir utiliser l'outil informatique pour le traitement et la gestion des données.
- Connaître les risques et savoir appliquer les règles d'hygiène et de sécurité relatives au domaine d'activité.
- Travailler en équipe.
- Savoir rendre compte de son activité, savoir rassembler et mettre en forme les résultats des expériences.
- Transmettre des savoir-faire techniques en s'adaptant au public concerné.
- Communiquer et gérer les relations avec les interlocuteurs internes et externes.

Environnement :

L'activité s'exercera au sein de l'unité GeT-PlaGe (get.genotoul.fr / @get_genotoul) de Genotoul du Centre de Recherche INRA de Toulouse. GeT-PlaGe est le site principal de la plateforme GeT du GIS Genotoul. Pour les années à venir, la plateforme GeT a pour objectif de développer les deux axes scientifiques et technologiques suivants :

- Caractérisation du génome : structure fine et organisation fonctionnelle, connaissance de plus en plus poussée du génome, des gènes, de leurs régulations et de leurs interactions
- Etude du polymorphisme

Le site GeT-PlaGe a fait des sciences animales, végétales, de l'environnement et de l'écologie une spécialité. En complément d'approches classiques de séquençage, GeT-PlaGe a développé des axes technologiques et méthodologiques qui étaient pas ou peu pris en charge par le réseau des autres plateformes régionales de France Génomique : le reséquençage tout génome pour l'étude du polymorphisme, le séquençage whole genome bisulfite pour les analyses épigénétiques, le séquençage long read pour l'assemblage de genome de novo et l'analyse de variations structurales.

La plateforme est impliquée en tant que collaborateur dans une 20aine de programmes Nationaux ou Européens. Elle contribue à de nombreux projets de recherche qui s'inscrivent dans les schémas stratégiques de 9 des 13 départements de recherche de l'INRA : GA, BAP, SPE, EFPA, EA, PHASE, SA, MICA, et CEPIA.

Les résultats obtenus dans le cadre de l'ensemble des projets réalisés ces dernières années ont été valorisé dans plus de 100 publications. Au-delà de l'INRA (60% de l'activité), la plateforme est devenue un outil majeur pour des équipes d'autres organismes de recherche dans le domaine de l'agronomie, et de l'écologie.

La plateforme est depuis 2010 une infrastructure d'avenir dans le cadre du programme France Génomique. Elle est labélisée IBiSA (Infrastructures en Biologie Sante et Agronomie) depuis 2008 et est certifiée ISO9001-2015 et NFX50-900. Elle fait partie des plateformes stratégiques de l'INRA (CNOC : Commission Nationale des Outils Collectifs). GeT-PlaGe a un partenariat historique avec la plateforme bioinformatique.

La personne recrutée rejoindra une équipe dédiée de 25 personnes. Sous la responsabilité de la Directrice de la plateforme et en lien étroit avec l'Ingénieur de Recherche responsable NGS, elle sera en interaction forte avec les personnels des équipes impliqués dans les programmes utilisant les séquenceurs nouvelle génération.

Capacités personnelles :

- Goût pour le travail en équipe, Bon relationnel
- Rigueur, sens de l'organisation, respect
- Curiosité, Implication, Dynamisme
- Bonne maîtrise de l'anglais
- Diplôme minimum : Diplôme BAC+8 ou diplôme d'ingénieur des grandes écoles.
- Expérience sur une plateforme, en séquençage à haut débit, appréciée

Les candidatures (lettre de motivation + CV avec référence au profil) doivent être envoyées avant le 1 mai par mail à l'adresse get-plage.rh@genotoul.fr.

