

## **Ingénieur de recherche biologiste (réf : PlaGeIR01-2018)**

Lieu de travail : Campus INRA d'Auzeville (31)  
Durée : 6 mois renouvelables  
Début du contrat souhaité : 1<sup>er</sup> février 2018  
Salaire basé sur la grille INRA, suivant expérience

Contacts : Olivier Bouchez - Cécile Donnadieu  
(05.61.28.55.90/57.54, [get-plage.rh@genotoul.fr](mailto:get-plage.rh@genotoul.fr))  
<http://get.genotoul.fr>

### **Activités essentielles :**

- Réaliser des développements méthodologiques sur des technologies de séquençage **2<sup>ème</sup> génération « short read » (Hi-C, ...)**
- Participer à la mise en place de nouvelles applications sur les technologies de **3<sup>ème</sup> génération (ONT, 10Xgenomics...)**
- Assurer la veille technologique concernant le séquençage « long read » et les protocoles d'extraction d'ADN de haut poids moléculaire.
- Communiquer au sujet des résultats obtenus lors de séminaires, réunions...
- Assurer l'entretien courant de différents appareils et de leurs périphériques.
- Communiquer et gérer les relations avec les interlocuteurs internes et externes.
- Accompagner et former les utilisateurs pour la réalisation de leurs travaux.
- Gérer les stocks.
- Assurer une permanence occasionnelle pour la continuité du suivi des réactifs dans les congélateurs.
- Participer à la démarche qualité ISO9001-2015 et NFX50-900.

### **Compétences :**

- Avoir des connaissances générales en biologie moléculaire et génomique.
- Maîtriser dans le cadre d'une utilisation de routine une ou plusieurs techniques d'un domaine.
- Connaître et maîtriser la mise en œuvre d'un ensemble de techniques de biologie moléculaire.
- Savoir réaliser une veille technologique.
- Savoir manipuler des ADN de haut poids moléculaire.
- Connaître le principe et maîtriser l'utilisation des appareils spécialisés du domaine : séquenceurs NGS Illumina HiSeq et MiSeq, PacBio RSII, Oxford Nanopore MinION et GridION, robots pipetteurs, périphériques pour le contrôle qualité des échantillons et la quantification...
- Savoir utiliser l'outil informatique pour le traitement et la gestion des données.
- Connaître les risques et savoir appliquer les règles d'hygiène et de sécurité relatives au domaine d'activité.
- Travailler en équipe.
- Savoir rendre compte de son activité, savoir rassembler et mettre en forme les résultats des expériences.
- Transmettre des savoir-faire techniques en s'adaptant au public concerné.
- Utiliser des logiciels de gestion des stocks et des commandes.
- Communiquer et gérer les relations avec les interlocuteurs internes et externes.

### **Environnement :**

L'activité s'exercera au sein de l'unité GeT-PlaGe ([get.genotoul.fr](http://get.genotoul.fr) / @get\_genotoul) de Genotoul du Centre de Recherche INRA de Toulouse. GeT-PlaGe est le site principal de la plateforme GeT du GIS Genotoul. Pour les années à venir, la plateforme GeT a pour objectif de développer les deux axes scientifiques et technologiques suivants :

- Caractérisation du génome : structure fine et organisation fonctionnelle, connaissance de plus en plus poussée du génome, des gènes, de leurs régulations et de leurs interactions
- Etude du polymorphisme

Le site GeT-PlaGe a fait des sciences animales, végétales, de l'environnement et de l'écologie une spécialité. En développant des axes technologiques et méthodologiques qui n'étaient pas (ou peu) pris en charge au niveau national par le réseau des plateformes France Génomique : le reséquençage whole génome pour l'étude du polymorphisme, le séquençage whole genome bisulfite pour les analyses épigénétiques, RNAseq... le séquençage long read pour l'assemblage de genome de novo et l'analyse de variations structurales.

La plateforme est impliquée en tant que collaborateur dans une 20aine de programmes Nationaux ou Européens. Elle contribue à de nombreux projets de recherche qui s'inscrivent dans les schémas stratégiques des départements : GA, BAP, SPE, EFPA, EA, PHASE, SA, MICA, et CEPIA.

Les résultats obtenus dans le cadre de l'ensemble des projets réalisés ces dernières années ont été valorisé dans plus de 100 publications. Au-delà de l'INRA (60% de l'activité), la plateforme est devenue un outil incontournable pour les équipes d'autres organismes de recherche dans le domaine de l'agronomie, et de l'écologie.

La plateforme est depuis 2010 une infrastructure d'avenir dans le cadre du programme France Génomique. Elle est labélisée IBISA (Infrastructures en Biologie Sante et Agronomie) depuis 2008 et est certifiée ISO9001-2015 et NFX50-900. Elle fait partie des plateformes stratégiques de l'INRA (CNOC : Commission Nationale des Outils Collectifs). GeT-PlaGe a un partenariat historique avec la plateforme bioinformatique.

La personne recrutée rejoindra une équipe dédiée de 25 personnes. Sous la responsabilité de la Directrice de la plateforme et de l'Ingénieur de Recherche responsable NGS, elle sera en interaction forte avec les personnels des équipes impliqués dans les programmes utilisant les séquenceurs nouvelle génération.

#### **Capacités personnelles :**

- Diplôme minimum : Diplôme BAC+8 ou diplôme d'ingénieur des grandes écoles.
- Expérience sur une plateforme, en séquençage à haut débit, souhaitée.
- Bon sens de l'organisation, rigueur et méthode.
- Aptitude au travail en équipe et à la communication.
- Bonne maîtrise de l'anglais.

**Les candidatures (lettre de motivation + CV avec référence au profil) doivent être envoyées avant le 31 décembre 2017 par mail à l'adresse [get-plage.rh@genotoul.fr](mailto:get-plage.rh@genotoul.fr).**

