

## **Ingénieur d'études bioinformatique (CDD) réf : PlaGeIE02-2017**

Lieu de travail : [Campus INRA d'Auzeville](#) (31)  
Durée : 12 mois, renouvelable  
Début du contrat souhaité : 1<sup>er</sup> octobre 2017  
Salaire basé sur la grille INRA, suivant expérience

Contacts : Gérald Salin- Claire Kuchly  
(05.61.28.57.47, [get-plage.rh@genotoul.fr](mailto:get-plage.rh@genotoul.fr))  
<http://get.genotoul.fr>

### **Activités essentielles :**

- Gérer les données brutes issues du séquençage nouvelle génération (NGS) des machines Illumina HiSeq3000 / MiSeq, PacBio RSII et MinION d'ONT
- Prendre la responsabilité du suivi des analyses qualité des données NGS
- Participer à l'intégration et la validation de nouveaux protocoles
- Former/assister l'équipe de biologistes NGS dans l'utilisation des outils pour l'analyse qualité
- Résoudre les problèmes liés aux analyses qualité remontés par l'équipe de biologistes
- Rédiger les documentations d'utilisation des outils mis en place et former les utilisateurs
- Participer à l'intégration et la validation de nouvelles machines haut-débit
- Participer activement à l'évolution des pipelines d'analyse qualité des données NGS sous jflow/ng6
- Développer de nouveaux composants/pipelines d'analyse jflow selon les nouvelles applications NGS à intégrer à ng6

### **Compétences souhaitées :**

- Langages : Python, Perl, shell
- Base de données : MySQL, PostgreSQL
- Systèmes d'exploitation : Linux, windows
- Cluster de calcul : SGE, Slurm
- Environnements de travail : ECLIPSE, SVN
- Des notions en biostats seraient un plus

### **Environnement :**

- L'activité s'exercera au sein de GeT-PlaGe ([get.genotoul.fr](http://get.genotoul.fr)) de Genotoul. Cette plateforme est intégrée au sein de l'Unité Mixte de Recherche (UMR 1388) de GenPhySE du Centre de Recherche INRA de Toulouse. Elle a pour vocation de permettre l'accès de la communauté scientifique à des équipements performants, et de favoriser les transferts de savoir-faire dans les domaines de l'analyse du génome et de la génomique fonctionnelle.
- La plateforme est labélisée IBISA (Infrastructures en Biologie Sante et Agronomie) depuis 2008 et est certifiée ISO9001-2015 / NFX 50-900. Elle fait partie des plateformes stratégiques de l'INRA (CNOC : Commission Nationale des Outils Collectifs). Dans le cadre du projet France Génomique, elle fait partie des 9 plateformes (dont le CNS et le CNG) identifiées comme point d'appui national des équipes de recherche dans le domaine du NGS. GeT-PlaGe a un partenariat historique avec la plateforme bioinformatique pour la gestion, le stockage et l'analyse primaire des données NGS.
- La personne recrutée rejoindra une équipe dédiée de 22 personnes pour renforcer la compétence bioinformatique (2 personnes). Sous la responsabilité de la directrice de la plateforme et de l'ingénieur responsable du système d'information, elle sera en interaction forte avec les personnes de l'équipe impliquées dans le séquençage nouvelle génération, ainsi qu'avec les personnes de la plateforme Bioinformatique.

**Capacités personnelles :**

- Diplôme minimum souhaité : BAC +3 bioinformatique
- Expérience souhaitée sur une plateforme dans la gestion de données de séquençage à haut débit
- Bon sens de l'organisation, rigueur et méthode.
- Aptitude au travail en équipe et à la communication.

**Les candidatures (lettre de motivation + CV avec référence au profil) doivent être envoyées avant le 31 aout 2017, par mail à l'adresse [get-plage.rh@genotoul.fr](mailto:get-plage.rh@genotoul.fr)**