

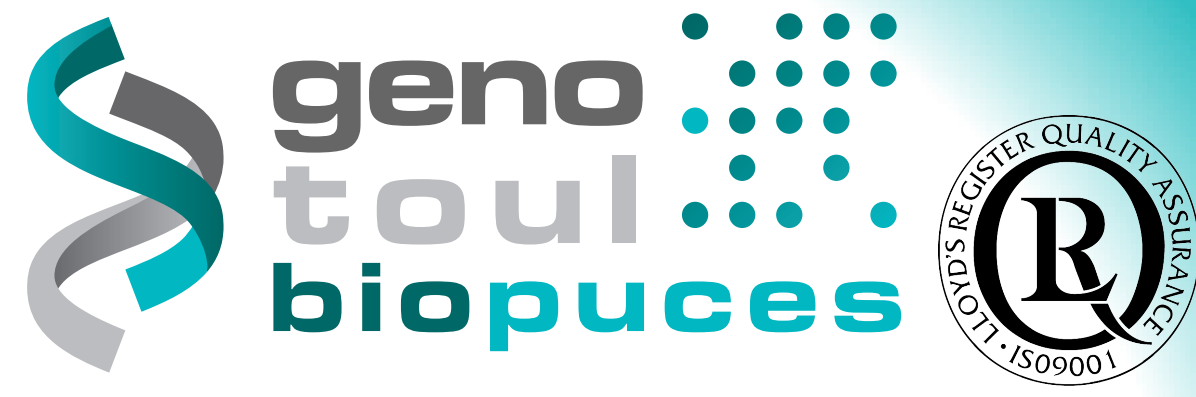
Plateforme Génome et Transcriptome



Plateforme Génomique (GeT PlaGe)

Responsables : Cécile Donnadieu / Denis Milan

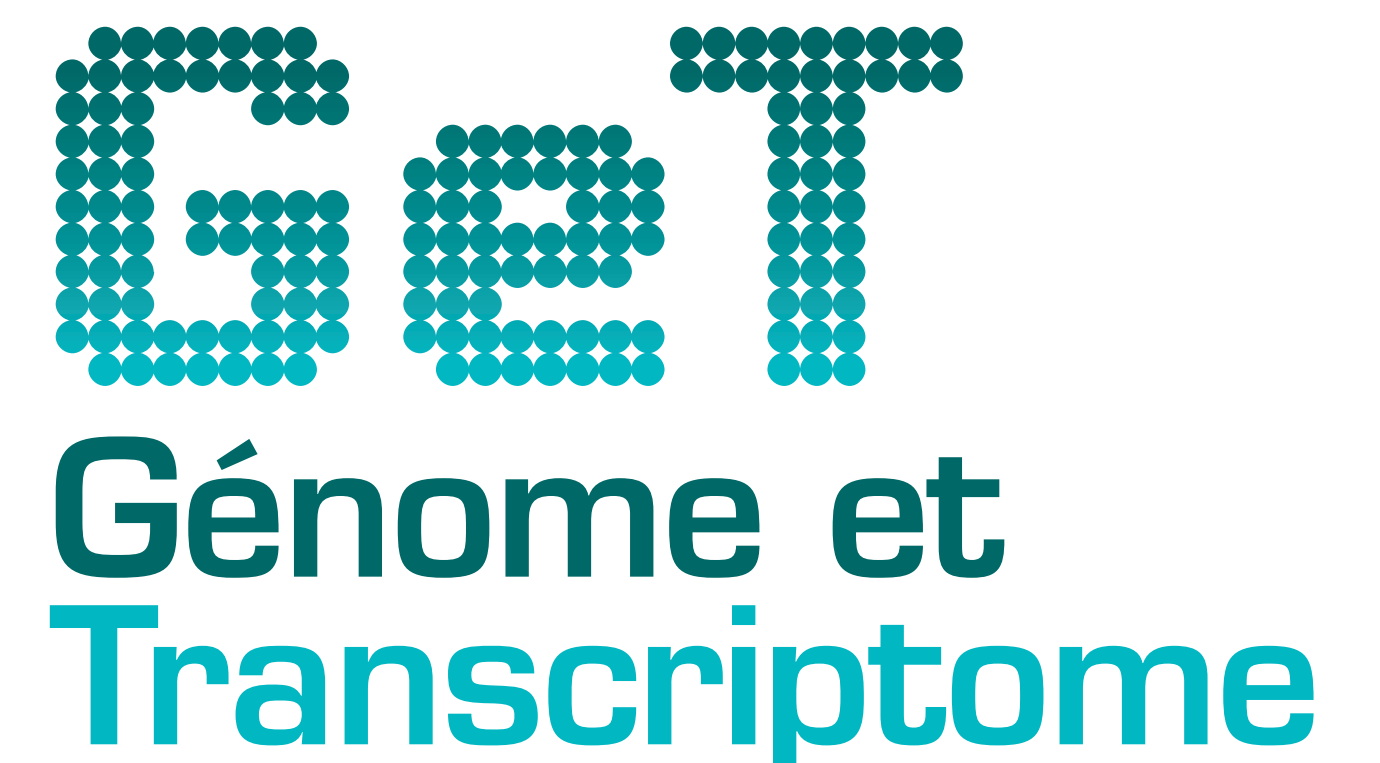
Description: Plateforme dédiée au génotypage haut et moyen débit, à la q-PCR haut débit, et au séquençage Sanger et NGS (Roche 454 & Illumina)



Plateforme Biopuces (GeT Biopuces)

Responsable : Véronique Le Berre

Description: Plateforme dédiée à la production et la réalisation d'expériences sur biopuces, pour des analyses transcriptomiques, génomiques ou protéomiques



Responsable scientifique :
Denis Milan

GeT : fusion de plateformes existantes



Plateau de Génomique de Purpan (GeT Purpan)

Responsable : Nicolas Borot

Description: Plateau dédié au séquençage de fragments d'ADN (plasmides, amplicons et génomique) et génotypage



Plateau de Transcriptomique Quantitative (GeT TQ)

Responsable : Jean-José Maoret

Description: Plateau dédié à la qPCR moyen et haut débit



Plateau TRiX (GeT TRiX)

Responsable : Pascal Martin

Description: Plateau dédié aux puces Agilent. Analyse des données

Objectifs de la structuration :

- Coordination des nouveaux investissements
- Interactions dans la mise en place de nouvelles technologies
- Partage de l'expertise de chacune des structures
- Animation d'une communauté plus large

Modalités d'accès :

- Projets en collaboration
 - ANR, Région, Europe, ...
- Prestations de service
 - Conseils scientifiques et techniques
 - Mise en place / design des projets
- Mise à disposition de machines
 - Accueil et formation des personnels
 - Mise à disposition de matériels opérationnels
- Runs de séquençage NGS communs
 - Réalisation des réactions de séquence (Public)
 - Séquençage commun sur le Roche 454 GS FLX

Un large panel de technologies pour s'adapter à tous vos projets :

