

Séminaire : **13 mars 2012 à 14h30**

Lieu : **Salle de conférence Hervé Paris, I2MC, Bât L4, CHU Rangueil**

Maîtriser l'impact de l'ADN génomique contaminant dans la RT-qPCR avec ValidPrime

Henrik Laurell

La contamination de l'ADN génomique (ADNg) est une source de signaux non-spécifiques lors des expériences de quantification d'expression génique par RT-qPCR. La solution classique à ce problème consiste à traiter l'ARN avec l'ADNase avant la reverse transcription. Cependant, le traitement à l'ADNase est coûteux et peut influencer la performance de la PCR.

ValidPrime est une nouvelle méthode qui remplace les contrôles « RT moins », et qui permet de mesurer l'impact de l'ADNg contaminant et de soustraire ce signal des données de RT-qPCR (Laurell, et al. 2012). De plus, ValidPrime permet de tester la sensibilité des amorces utilisées en RT-qPCR vis-à-vis de l'ADNg.

Un logiciel a été développé pour faciliter l'analyse des données.

Laurell H., Iacovoni JS, Abot A., Svec D., Maoret JJ, Arnal, JF and Kubista M
Correction of RT-qPCR data for genomic DNA-derived signals with ValidPrime (2012)
Nucl. Acids Res. doi:10.1093/nar/gkr1259

Et quant aux signaux provenant de l'ADNg dans vos RT-qPCR...!?



Il y a pas de raison,
mes primers sont bons !
...enfin à priori....



Tout est sous contrôle.
Mes primers ont été
testés et validés avec
ValidPrime !