

Below is our preliminary agenda for the meeting and subject to change.

Thursday, June 30, 2016

10:00 AM - 10:15 AM	Accueil et enregistrement
10:15 AM - 10:30 AM	Les technologies de séquençage disponibles sur la plateforme GeT Olivier Bouchez, GeT-PlaGe
10:30 AM - 11:00 AM	Illumina portfolio Olivier Lucas, Illumina
11:00 AM - 11:30 AM	Analyse du microbiote sanguin pour le développement de biomarqueurs de nouvelle génération Benjamin Lelouvier, Vaiomer
11:30 AM - 12:00 PM	Métabolisme des tapis microbiens soumis à une contamination chronique par des hydrocarbures Maria-Soledad GoniUrizza, Equipe environnement et Microbiologie-IPREM UMR5254, Université Pau
12:00 PM - 12:30 PM	Contemporary phenotypic and genomic evolution in a spatially heterogeneous environment Fabrice Roux, Laboratoire des Interactions Plantes-Microorganismes, INRA Auzeville
12:30 PM - 2:00 PM	Déjeuner
2:00 PM - 2:30 PM	Transcriptomic profile and epigenetic landscape during tomato fruit set Mohammed Zouine, MCF-HDR, Génomique et Biotechnologie des Fruits, INRA Auzeville
2:30 PM - 3:00 PM	Analyses de méthylation tout génome par séquençage haut-débit dans l'embryon de poule Marjorie Mersch, Doctorante, Génétique Physiologie et Systèmes d'Elevage, INRA Auzeville
3:00 PM - 3:30 PM	Capture génomique/séquençage bisulfite pour l'analyse de la méthylation de l'ADN lors du développement du nodule symbiotique racinaire Pascal Gamas, DR-HDR, Laboratoire des Interactions Plantes-Microorganismes, INRA Auzeville
3:30 PM - 4:00 PM	Construction d'une puce 50000 SNP pour l'espèce caprine Gwenola Tosser-Klopp, DR-HDR, Génétique Physiologie et Systèmes d'Elevage, INRA Auzeville