

## La Plateforme GeT-PlaGe recherche un ingénieur d'études informatique (CDD)

Lieu de travail : [Campus INRA d'Auzeville](#) (31)

Durée : 12 mois, non renouvelable

Début du contrat souhaité : 1<sup>er</sup> décembre 2015

Salaires basés sur la grille INRA, suivant expérience

Contacts : Gérald Salin - Cécile Donnadiou  
(05.61.28.57.47, [gerald.salin@toulouse.inra.fr](mailto:gerald.salin@toulouse.inra.fr))  
<http://get.genotoul.fr>

### Contexte :

- La plateforme Génomique (GeT-PlaGe) est l'une des plateformes technologiques de Génopole® Toulouse Midi Pyrénées, ayant pour vocation de permettre l'accès de la communauté scientifique toulousaine à des équipements performants, et de favoriser les transferts de savoir-faire dans les domaines de l'analyse du génome et de la génomique fonctionnelle.
- Dans le cadre de ses activités de séquençage nouvelle génération, elle doit faire évoluer son système d'information pour assurer une meilleure traçabilité des analyses réalisées. La personne recrutée travaillera exclusivement sur cette problématique.
- GeT-PlaGe utilisera le LIMS NGL, en cours de développement à l'Institut de Génomique d'Evry. NGL est un ensemble d'applications capables d'interagir entre elles. Chaque application dispose de sa propre logique métier mais s'appuie sur la même architecture REST :
  - NGL-P : Gestion de projets (organisation, gestion de la donnée).
  - NGL-S : Gestion des échantillons (réception, validation).
  - NGL-SQ : Gestion des expériences (enchaînement, planification).
  - NGL-R : Gestion des lots de réactifs.
  - NGL-BI : Gestion des pipelines de bio-informatique.
  - NGL-SUB : Gestion des soumissions dans les banques publiques.

### Activité :

- La personne recrutée :
  - participera au déploiement d'une partie des briques de NGL sur GeT-PlaGe
  - participera à l'adaptation du LIMS existant pour interagir avec NGL
  - Participera au développement de NGL, en collaboration avec les informaticiens de l'Institut de Génomique
  - Rédigera les documentations d'utilisation des outils mis en place et former les utilisateurs
  - Participera à la formation de l'équipe de en charge du séquençage nouvelle génération

### Compétences souhaitées :

- Langages : HTML5, CSS (Bootstrap), JavaScript (AngularJS), HTTP (REST), java
- Base de données : SQL (MySQL et postgresSQL) et/ou NoSQL (MongoDB).
- Systèmes d'exploitation : Linux, windows
- Environnements de travail : ECLIPSE, SVN, Git

### Environnement :

- La personne recrutée sera placée sous la responsabilité de l'ingénieur responsable opérationnel de la plateforme et de l'ingénieur informatique responsable du SI, au sein d'une équipe dédiée de 20 personnes. Elle sera en interaction forte avec les personnes de l'équipe impliquées dans le NGS ainsi qu'avec les personnes de la plateforme Bioinformatique.

### Capacités personnelles :

- Diplôme minimum souhaité : BAC +3 en informatique ou bioinformatique
- Une connaissance du fonctionnement d'un laboratoire de séquençage et / ou des nouvelles méthodes de séquençage est un plus. Bon sens de l'organisation, rigueur et méthode.
- Aptitude au travail en équipe et à la communication.