

La Plateforme Génomique Genotoul recherche un ingénieur d'études bioinformatique (CDD) réf IE-13-01

Lieu de travail : [Campus INRA d'Auzeville](#) (31)

Durée : 12 mois, renouvelable

Début du contrat souhaité : 15 janvier 2013

Salaire basé sur la grille INRA, suivant expérience

Contacts : Gérald Salin (05.61.28.57.47, get-plage.rh@genotoul.fr)
<http://get.genotoul.fr>

Activités essentielles :

- Gérer les données brutes issues du séquençage nouvelle génération (NGS) des machines Illumina HiSeq2500, HiSeq2000 et MiSeq
- Prendre la responsabilité du suivi des analyses qualité des données NGS
 - Former/assister l'équipe de biologistes NGS dans l'utilisation des outils pour l'analyse qualité (jflow/ng6, <http://ng6.toulouse.inra.fr/>)
 - Résoudre les problèmes liés aux analyses qualité remontés par l'équipe de biologistes
- Participer activement à l'évolution des pipelines d'analyse jflow existants et le site ng6 associé selon les besoins des utilisateurs
- Développer de nouveaux composants/pipelines d'analyse jflow selon les nouvelles applications NGS à intégrer à ng6
- Rédiger les documentations d'utilisation des outils mis en place et former les utilisateurs
- Participer à l'intégration et la validation de nouvelles machines haut-débit
- Participer au réseau France Génomique, notamment au niveau du work package « Contrôle qualité des données »

Compétences souhaitées :

- Langages : Perl, Python, PHP, shell
- Systèmes d'exploitation : Linux, windows
- Environnements de travail : ECLIPSE, SVN
- Développements web : typo3
- Des notions en biostats seraient un plus

Environnement :

- L'activité s'exercera au sein de GeT-PlaGe (get.genotoul.fr) de Genotoul. Cette plateforme est intégrée au sein de l'Unité Mixte de Recherche (UMR 444) de Génétique Cellulaire du Centre de Recherche INRA de Toulouse (<http://www.toulouse.inra.fr/lgc/lgc.htm> - Département de Génétique Animale). La plateforme est labélisée IBISA (Infrastructures en Biologie Sante et Agronomie) depuis 2008 et est certifiée ISO9001-2008. Elle fait partie des plateformes stratégiques de l'INRA (CNOC : Commission Nationale des Outils Collectifs). Dans le cadre du projet France Génomique, elle fait partie des 9 plateformes (dont le CNS et le CNG) identifiées comme point d'appui national des équipes de recherche dans le domaine du NGS. GeT-PlaGe a un partenariat historique avec la plateforme bioinformatique pour la gestion, le stockage et l'analyse primaire des données NGS.
- Elle a pour vocation de permettre l'accès de la communauté scientifique à des équipements performants, et de favoriser les transferts de savoir faire dans les domaines de l'analyse du génome et de la génomique fonctionnelle.
- La personne recrutée rejoindra une équipe dédiée de 15 personnes. Sous la responsabilité de la directrice adjointe de la plateforme et de l'ingénieur responsable du système d'information, Elle sera en interaction forte avec les personnes de l'équipe impliquées dans le séquençage nouvelle génération, ainsi qu'avec les personnes de la plateforme Bioinformatique.

Capacités personnelles :

- Diplôme minimum souhaité : BAC +3 bioinformatique
- Expérience souhaitée sur une plateforme dans la gestion de données de séquençage à haut débit
- Bon sens de l'organisation, rigueur et méthode.
- Aptitude au travail en équipe et à la communication.

Les candidatures (lettre de motivation + CV avec référence au profil) doivent être envoyées avant le 06 décembre 2013, par mail à l'adresse get-plage.rh@genotoul.fr