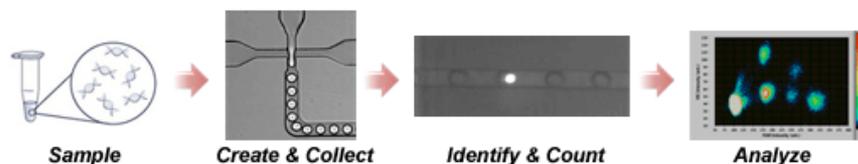


# Matinée «Validation des données de méthylation, CNV, allèles spécifiques »

9h30: Présentation des outils testés : Droplet digital PCR (BioRad) et Pyromark (Qiagen) - **Sophie Valière /Sophie Leroux**



9h45 : Quantification du nombre de copies intégrées de vecteur lentiviral par ddPCR - **Régis Gayon** – Vectalys

10h15 : Etude d'un CNV impliqué dans la coloration de la robe chez le porc. **Katia Fève** - INRA LGC

10h45 : Validation de résultats HiSeq par deux technologies (ddPCR et Pyroséquençage) : application à la quantification de l'expression allélique dans l'embryon de poulet - **Laure Frésard / Sophie Leroux** - INRA LGC

11h15 : Analyse de la méthylation de l'ADN spermatique chez des animaux infertiles – **Hervé Acloque** – INRA LGC

11h45 : Analyse CNV des gènes de la fertilité sur le chromosome Y: résultats du premier test avec le QX100 pour patients et témoins » **Stéphanie Schiavinato / Patricia Balaesque** - UMR5288 Laboratoire Anthropologie Moléculaire et Imagerie de Synthèse

12h15: Discussion

**Lundi 13 mai 2013 de 9h30 à 12h30**

Salle de séminaire du pôle

Centre INRA de Toulouse Midi-Pyrénées

24 chemin de Borde Rouge Auzeville

31320 Castanet-tolosan

