

Journée « Evolutions technologiques pour l'étude de l'expression des gènes »

9h30 : Introduction (Denis Milan, GeT-PlaGe, Toulouse)

✓Session Fluidigm BioMark et Microarray

9h50 : Expression des gènes chez les bactéries : un processus de régulation complexe et multi-niveau (Muriel Cocaïgn, LISBP, Toulouse)

10h20 : MicroARNs plasmatiques dans le mélanome : détermination d'un profil spécifique (Virginie Armand-Labit, Institut Claudius Regaud, Toulouse)

10h50 : ValidPrime comme outil pour maîtriser l'impact de l'ADN génomique contaminant dans la RT-qPCR (Henrik Laurell, I2MC, Toulouse)

11h20 : *Pause café*

11h50 : Expression de gènes au cours de la pathologie rénale lors du diabète chez la souris. Apports de la technologie Fluidigm Biomark et de ValidPrime (Nelly Blaes, I2MC, Toulouse)

12h20 : *Repas*

✓Session RNA-seq sur Illumina HiSeq2000

13h30 : Analyse par RNA-seq de l'expression sexe-dépendante dans le foie et le tissu adipeux blanc de 3 espèces : le porc, le poulet et la souris (Pascal Martin, GeT-TRiX, Toulouse)

14h : Identification de "Biomarqueurs" du développement folliculaire ovarien précoce chez la brebis (Agnès Bonnet, LGC, Toulouse)

14h30 : Analyse à grande échelle de polymorphismes altérant la régulation de l'expression de gènes, chez le bovin (Dominique Rocha, GABI, Jouy-en-Josas)

15h : *Pause*

✓Session Retours d'expérience sur Illumina MiSeq

15h30 : NEIGE : NExt generation sequencing for molecular diagnosis In oncoGenetics (Nicolas Sevenet, Institut Bergonié/INSERM, Bordeaux)

16h : Genomics of mycorrhizal fungi using MiSeq technology (Christophe Roux, LRSV, Toulouse)

16h30 : Détection et analyse de virus aviaires par approche métagénomique : retour d'expérience du séquenceur MiSeq (Jean-Luc Guérin, IHAP, Toulouse)

17h : Discussions/Conclusions

Lundi 2 juillet 2012 de 9h30 à 17h30

Salle de conférence Marc Ridet

Centre INRA de Toulouse Midi-Pyrénées

24 chemin de Borde Rouge Auzeville

31320 Castanet-tolosan