

## Assistant Ingénieur biologiste (réf : PlaGeAI02-2017)

Lieu de travail : Campus INRA d'Auzeville (31)  
Durée : 6 mois renouvelable  
Début du contrat souhaité : 1<sup>er</sup> octobre 2017  
Salaire basé sur la grille INRA, suivant expérience

Contacts : Olivier Bouchez - Cécile Donnadiou  
(05.61.28.55.90/57.54, [get-plage.rh@toulouse.inra.fr](mailto:get-plage.rh@toulouse.inra.fr))  
<http://get.genotoul.fr>

### Activités essentielles :

- Participer à la réalisation technique de projets de Séquençage nouvelle Génération sur Illumina MiSeq : accueil des clients, conseils et discussions techniques en amont et en aval, formation, réalisation des projets, rédaction des comptes rendu et facturation des clients.
- Assurer l'entretien courant de différents appareils et de leurs périphériques.
- Communiquer et gérer les relations avec les interlocuteurs internes et externes.
- Accompagner et former les utilisateurs pour la réalisation de leurs travaux.
- Gérer les stocks.
- Assurer une permanence occasionnelle pour la continuité du suivi des réactifs dans les congélateurs.
- Participer à la démarche qualité ISO9001-2015 et NFX50-900.

### Compétences :

- Avoir des connaissances générales en biologie moléculaire et génomique.
- Maîtriser dans le cadre d'une utilisation de routine une ou plusieurs techniques d'un domaine.
- Connaître et maîtriser la mise en œuvre d'un ensemble de techniques de biologie moléculaire.
- Connaître le principe et maîtriser l'utilisation des appareils spécialisés du domaine : séquenceurs NGS Illumina HiSeq et MiSeq, PacBio RSII, Oxford Nanopore MinION, robots pipetteurs, périphériques pour le contrôle qualité des échantillons et la quantification...
- Savoir utiliser l'outil informatique pour le traitement et la gestion des données.
- Connaître et savoir appliquer les risques et les règles d'hygiène et de sécurité relatives au domaine d'activité.
- Travailler en équipe.
- Savoir rendre compte de son activité, savoir rassembler et mettre en forme les résultats des expériences.
- Transmettre des savoir-faire techniques en s'adaptant au public concerné.
- Utiliser des logiciels de gestion des stocks et des commandes.
- Communiquer et gérer les relations avec les interlocuteurs internes et externes.

### Environnement :

L'activité s'exercera au sein de l'unité GeT-PlaGe ([get.genotoul.fr](http://get.genotoul.fr)) de Genotoul du Centre de Recherche INRA de Toulouse. La plateforme est depuis 2010 une infrastructure d'avenir dans le cadre du programme France Génomique. Elle est labélisée IBISA (Infrastructures en Biologie Santé et Agronomie) depuis 2008 et est certifiée ISO9001-2015 et NFX50-900. Elle fait partie des plateformes stratégiques de l'INRA (CNOC : Commission Nationale des Outils Collectifs). GeT-PlaGe a un partenariat historique avec la plateforme bioinformatique.

Elle a pour vocation de permettre l'accès de la communauté scientifique nationale à des équipements performants, et de favoriser les transferts de savoir-faire dans les domaines de l'analyse du génome et de la génomique fonctionnelle. Dans le cadre du projet France-Génomique, elle fait partie des 9 plateformes (dont le CNS et le CNG) identifiées comme point d'appui national des équipes de recherche dans le domaine du séquençage nouvelle génération.

La personne recrutée rejoindra une équipe dédiée de 22 personnes. Sous la responsabilité de la Directrice de la plateforme et de l'Ingénieur de Recherche responsable NGS, elle sera en interaction forte avec les personnels des équipes impliqués dans les programmes utilisant les séquenceurs nouvelle génération.

**Capacités personnelles :**

- Diplôme minimum : Diplôme BAC+2.
- Expérience souhaitée sur une plateforme, en séquençage à haut débit.
- Bon sens de l'organisation, rigueur et méthode.
- Aptitude au travail en équipe et à la communication.
- Bonne maîtrise de l'anglais.

**Les candidatures (lettre de motivation + CV avec référence au profil) doivent être envoyées avant le 31 août 2017 par mail à l'adresse [get-plage.rh@toulouse.inra.fr](mailto:get-plage.rh@toulouse.inra.fr).**

