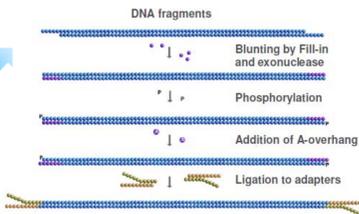
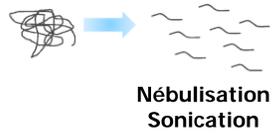


Séquençage Haut-Débit sur Illumina HiSeq 2000



Préparation des librairies : 1 à 2 jours

1 à 5 µg ADN
1 à 4 µg ARN total



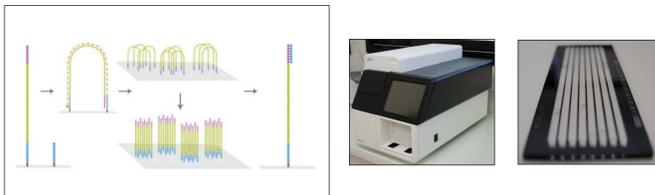
Quantification des librairies : 0,5 jours



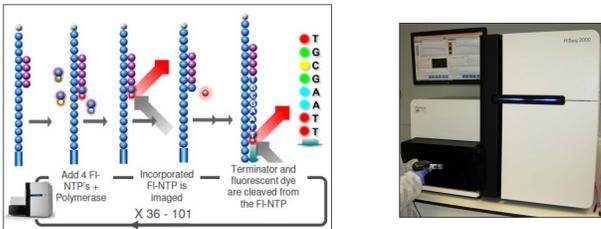
Comptage précis du nombre de molécules d'ADN par Q-PCR

Préparation de la Flowcell : 0,5 jours

Hybridation + formation des clusters



Séquençage : 3 à 8 jours en fonction de l'application



Analyse qualitative, nettoyage et mise à disposition des données



<http://bioinfo.genopole-toulouse.prd.fr/>



<http://ng6.toulouse.inra.fr/>

Illumina HiSeq 2000

Spécifications :

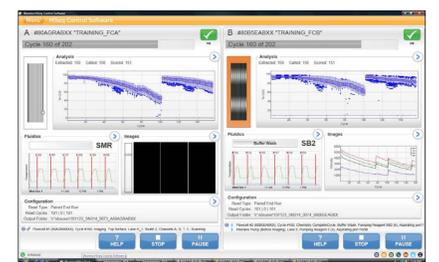
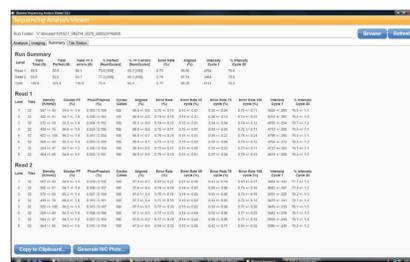
- 0,5 à 1 milliard de séquences/flowcell
- Longueur maximale des séquences : **100 pb**
- jusqu'à **100 Gb** /flowcell
- Flowcell composée de 8 lanes
- 2 flowcells indépendantes
- Lectures en single read/paired-end/mate-pair
- Séquençage par synthèse
- Possibilité de réaliser des **multiplexages (12)**

Applications:

- Séquençage *de novo*
- **Reséquençage**
- **Transcriptomique**
- Analyses Epigénétiques
- Analyses **Métagénomiques**



Résultats



Résultats du run de validation :
-PhiX (ADN contrôle Illumina)
-2x100 pb
- ~280 Gb produits

Phase de validation avec des projets pilotes

- 17 projets
- ADN/ARN végétaux, animaux, bactériens, humains
- Fin de la validation prévue mi-2011