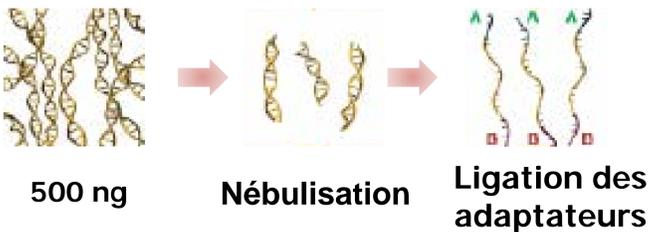


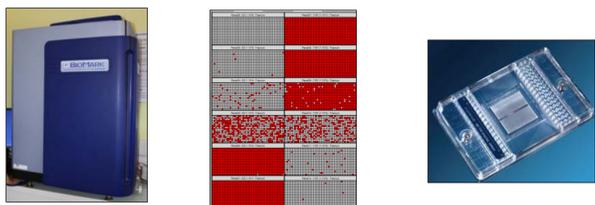
Séquençage Haut-Débit sur Roche 454 GS FLX



Préparation des librairies : 1 jour



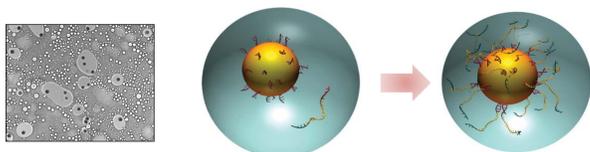
Quantification des librairies : 0,5 jours



Comptage précis du nombre de molécules d'ADN avec le Fluidigm® BioMark™

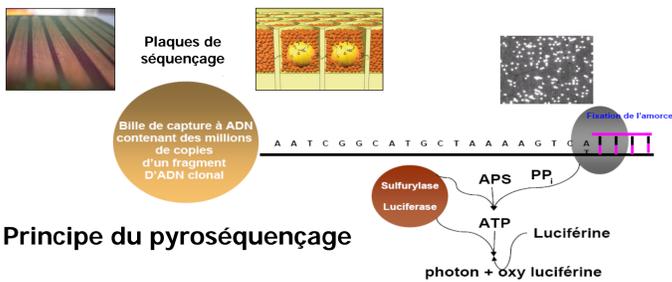
emPCR : 1,5 jours

Amplification clonale de l'ADN autour d'une bille



Micro-réacteurs

Séquençage : 0,5 jours + 8h de run



Analyse qualitative, nettoyage et mise à disposition des données



<http://bioinfo.genopole-toulouse.prd.fr/>



<http://ng6.toulouse.inra.fr/>

Roche 454 GS FLX

Spécifications :

- 1.2 M de séquences/run
- Longueur moyenne des séquences : 400 pb
- 500 Mb/run
- Lames 2, 4, 8 et 16 régions
- Chimie **Titanium**
- Possibilité de réaliser des **multiplexages**



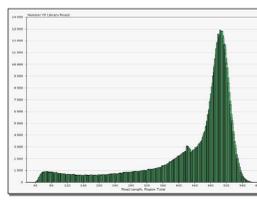
Applications:



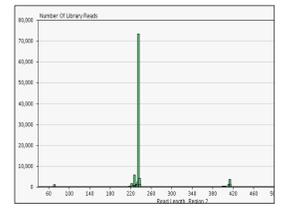
- Séquençage *de novo*
- **Reséquençage** de régions d'intérêt (par LR-PCR ou capture de séquences Nimblegen)
- Transcriptomique
- Analyses **Epigénétiques**
- Analyses **Métagénomiques**

Résultats

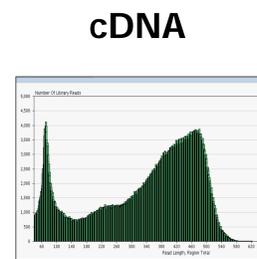
Distribution des séquences en fonction de leur taille



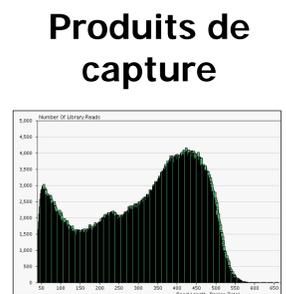
ADNg



Amplicons



cDNA



Produits de capture

Modalités d'accès

- Formation/accompagnement avec un membre de l'équipe
- Runs complets (2, 4, 8 ou 16 régions)
- Runs de séquençage commun (1/8 de plaque, tous les 2 mois)